



Staphylococcus coagulasa-negativa clínicamente significativos. Especies más frecuentes y factores de virulencia

 29 min.



Staphylococcus coagulasa negativa se encuentran entre los microorganismos aislados con mayor frecuencia en el laboratorio de microbiología. El protagonismo de este grupo de bacterias como patógeno ha ido en aumento en los últimos años. En el siguiente trabajo presentamos un estudio para identificar las especies aisladas más frecuentemente, así como sus factores de virulencia.



Norma Fariña,
Letizia Carpinelli,
Margarita Samudio,
Rosa Guillén,
Florentina Laspina,
Ramona Sanabria,
Sonia Abente,
Ladis Rodas,
Pedro González y
Herminia M. de Kaspar

Instituto de Investigaciones en Ciencias de la Salud
Asunción, Paraguay.
(NF, LC, MS, RG, FL, RS, SA, HM).

Laboratorio San Roque. Asunción, Paraguay (LR, PG).

Los autores declaran no tener conflicto de intereses.

Financiamiento: Fundación Hannelore-Zimmermann,
Munich, Alemania.

Recibido: 19 de abril de 2013

Aceptado: 24 de julio de 2013



Correspondencia a:
Norma Fariña González
normafarina@gmail.com



Resumen

Introducción: *Staphylococcus coagulasa-negativa* ha emergido como responsable de un gran número de infecciones. No obstante, con frecuencia es difícil asegurarse su rol patógeno o descartarlo como contaminante. Objetivo: Estudiar a nivel de especies *Staphylococcus coagulasa-negativa* clínicamente significativos y sus factores de virulencia, de aislados provenientes de pacientes del Laboratorio San Roque de Asunción, Paraguay entre los años 2009 y 2011.

Material y Métodos: Para la identificación de especies fue utilizado el método simplificado de DePaulis y cols. La producción de biopelícula, hemolisinas, lipasas, lecitinasas, ADNasa, fue determinada por métodos convencionales; la resistencia a meticilina por difusión y los genes *mecA* y Panton-Valentine por RPC múltiple. Resultados: De 64 aislados, 40,6% correspondió a *S. epidermidis*, 20,3% *S. haemolyticus* y 15,6% *S. lugdunensis*. La producción de biopelícula fue detectada en *S. epidermidis* en 73,1%, *S. haemolyticus* 53,8% y *S. lugdunensis* 40%. El gen *mecA* fue identificado en 69,2% de *S. epidermidis*, 92,3% de *S. haemolyticus* y en ninguno de *S. lugdunensis*. El 83% de *S. epidermidis mecA* (+) fue productor de biopelícula en comparación a 50% de los *mecA* (-).

Conclusión: La frecuencia de *S. lugdunensis*, una de las especies más virulentas de *Staphylococcus coagulasa-negativa* fue

relativamente alta; y el principal factor de virulencia en *S. epidermidis* fue la producción de biopelícula, siendo mayor en los resistentes a meticilina.

Introducción

Staphylococcus coagulasa negativa (SCN) se encuentran entre los microorganismos más frecuentemente aislados en el laboratorio de microbiología. Sin embargo, su significado clínico en muchas situaciones es difícil de establecer, pues pueden ser comensales inofensivos o patógenos invasores. El protagonismo de este grupo de bacterias como patógeno ha ido en aumento y se los ha asociado con el progreso de la tecnología médica(1-5). Han sido reportados como agentes etiológicos de bacteriemias relacionadas a catéteres, peritonitis asociadas a contaminación del catéter, infecciones en válvulas derivativas ventrículo-atriales o ventrículo-peritoneales, endocarditis de válvulas protésicas y nativas, infecciones asociadas al empleo de otros dispositivos protésicos, abscesos superficiales, infecciones en piel y tejidos blandos, infecciones oftalmológicas postquirúrgicas e infecciones urinarias(3,6,7).

Las especies más frecuentemente involucradas en patología humana son: *Staphylococcus epidermidis*, *S. haemolyticus* y *S. saprophyticus* que, en conjunto, alcanzan hasta 80% de los casos; el resto se debe a *S. lugdunensis*, *S. hominis*, *S. warneri*, *S. simulans*, *S. capitis*, *S. auricularis*, *S. cohnii* y otras. La patogenicidad de SCN varía entre las diferentes especies; así, Thean Yen Tan y cols., identificaron a *S. lugdunensis* como la

especie más virulenta, con 91% de los aislados asociados con infecciones clínicamente significativas(3,6,7).

La virulencia está fundamentalmente relacionada con la capacidad de ciertas cepas de expresar adhesinas y formar biopelículas (slime) en los dispositivos protésicos y catéteres, en cuya intimidad los microorganismos se agregan y forman macrocolonias que crecen protegidas de la acción de antimicrobianos, anticuerpos, y de otros mecanismos de defensa del hospedero. La producción de esta biopelícula es considerada un factor importante de virulencia en algunas cepas de SCN habiéndose reportado mayor dificultad en erradicar una infección crónica asociada a este fenómeno como también la frecuente asociación con una disminución de la susceptibilidad a los antimicrobianos. Además los SCN pueden sintetizar enzimas como lipasas, ADNasas, termonucleasas, hemolisinas y demás exo-enzimas que degradan los tejidos y contribuyen a la

persistencia de la infección(5,8).

Los SCN aislados de infecciones nosocomiales, en especial *S. epidermidis* y *S. haemolyticus*, son resistentes a múltiples microbianos, con más de 80% de resistencia a metilina; además, *S. haemolyticus* fue el primer *Staphylococcus* que ha mostrado resistencia a vancomicina. Otros SCN han evidenciado una sensibilidad reducida a glucopéptidos. La detección de la resistencia a metilina en *S. epidermidis* es mucho más dificultosa que en *S. aureus* ya que cepas de *S. epidermidis* con baja CIM a oxacilina pueden contener el gen *mecA* y ser completamente resistentes a b-lactámicos cuando se estudian en animales. La identificación del gen *mecA* mediante amplificación con reacción de polimerasa en cadena (RPC) o de la proteína de unión a penicilina de baja afinidad (PBP2a) codificada por el gen *mecA* mediante aglutinación, constituyen los métodos de detección de la resistencia a metilina más sensibles y específicos(9,10).

En Paraguay no se realiza habitualmente identificación de las diferentes especies de SCN; tampoco se confirma la resistencia a metilina mediante la determinación del gen *mecA* o de la proteína PBP2a, ni existen estudios sobre virulencia de esta bacteria. Debido a la necesidad de aprender más sobre este microorganismo, llevamos a cabo este estudio cuyo objetivo fue identificar las especies más frecuentemente aisladas como agente causal de infecciones, así como sus factores de virulencia. Con este trabajo se pretende contribuir al conocimiento de un agente que se ha convertido en un patógeno de gran importancia en los últimos años y que ha sido poco estudiado.

Materiales y Métodos

Se realizó un estudio observacional, descriptivo, de corte transversal, con muestreo no probabilístico de casos consecutivos, incluyéndose en el estudio aislados identificados como SCN mediante

La importancia de un buen control metabólico

NycoCard[®]
HbA1c

Sistema sencillo y confiable para el monitoreo de pacientes diabéticos en sólo 3 minutos.

Test de afinidad de Boronato.

Rango de Medición: 3-18 % HbA1c. ✓

Muestra: 5 ul de sangre capilar o venosa anticoagulada. ✓

Sin interferencia de otras variantes o derivados de Hemoglobina. ✓

Presentación: NycoCard kit x 24 determinaciones. ✓



la prueba de coagulasa en tubo, provenientes de muestras clínicas de pacientes hospitalizados o ambulatorios del Laboratorio San Roque de Asunción-Paraguay, desde marzo del año 2009 hasta julio de 2011 y que fueron considerados clínicamente significativos. Criterios empleados: aislados de hemocultivos donde hubo desarrollo de SCN con idéntico antibiograma en dos o más muestras, urocultivos en aislamiento puro con recuento mayor a 105 ufc/ml con leucocituria, líquidos biológicos purulentos y secreciones purulentas de heridas profundas en los que se observaron coqueas grampositivas de la muestra directa y se obtuvo desarrollo monomicrobiano en la placa primaria, y puntas de catéteres centrales con recuento mayor a 100 ufc. Fueron excluidos SCN recuperados de medios de enriquecimiento.

Los aislados de SCN fueron colocados en caldo cerebro corazón conteniendo glicerol al 15% y remitidos al Instituto de Investigaciones en Ciencias de la Salud donde fueron conservados a -20°C hasta la realización de los estudios. Cada aislado remitido fue acompañado de una ficha pre-codificada de datos. Los aislados provinieron de secreciones de heridas quirúrgicas infectadas, catéter venoso central, urocultivos, hemocultivos o secreciones purulentas profundas de diversos sitios.

El protocolo de investigación fue aprobado por el Comité de Ética en Investigación (CEI) del Instituto de Investigaciones en Ciencias de la Salud, UNA.

Identificación de especie

Los SCN fueron diferenciados de otras coqueas grampositivas catalasa positiva, como *Micrococcus spp*, *Planococcus spp* y *Rhotia spp*, mediante la ausencia de halos de inhibición frente a bacitracina (0,04 U) y por ser sensibles a furazolidona (100 U), con halos de inhibición de 15 a 35 mm de diámetro.

La identificación de especie se realizó utilizando el esquema simple propuesto por De Paulis y cols.(11), que emplea cinco pruebas bioquímicas iniciales: pirrolidonilaramidasa (PYR), decarboxilación de la ornitina, producción de urea, acidificación de la manosa y sensibilidad a novobiocina, y permite clasificar a los SCN en cinco grupos: Grupo *S. epidermidis*, Grupo *S. haemolyticus*, *S. lugdunensis*, Grupo *S. saprophyticus*, Grupo *S. warneri* y Grupo *S. schleiferi*. Además se realizaron las pruebas adicionales recomendadas por estos autores como: acidificación de trehalosa, manitol, xilosa, producción de acetoina y crecimiento en caldo tioglicolato en condiciones de anaerobiosis según método de referencia(12). En los casos en que no se pudo llegar a la identificación de especie con este esquema simplificado, se utilizó el sistema comercial de identificación API-Staph (Biomerieux®), siguiendo las instrucciones del fabricante.

En la Tabla 1 se presenta una pequeña modificación al método de De Paulis y cols., donde se muestran las pruebas consideradas de mayor utilidad para la diferenciación de las especies de SCN más frecuentes.

Identificación por microsistemas de identificación API-Staph

El API-Staph (Biomerieux®) con-

siste en una tira comercial que contiene substratos deshidratados en microtubos individuales. Éstos fueron reconstituidos con el medio líquido API-Staph medium® inoculada con la bacteria a ser identificada con una turbidez 0,5 de la escala de Mac Farland. El API-Staph® incluye: producción de ácido a partir de D-glucosa, D-trehalosa, D-mannitol, D-mannosa, xilosa, maltosa, lactosa, sucrosa, N-acetilglucosamina, raffinosa, D-fructosa, D-melibiosa, xilitol y metil-glucosamina; reducción de nitrato, fosfatasa alcalina, arginina dihidrolasa, ureasa y producción de acetoina. Los aislados identificados como *S. saprophyticus* provenientes en su totalidad de urocultivos, en número de 38, fueron excluidos del estudio por ser un conocido uropatógeno con excelente sensibilidad a los antimicrobianos, que no constituye ningún problema y ya estudiado por varios autores, inclusive en nuestro país(13,14).

Factores de virulencia

En un total de 64 aislados de SCN se determinó los siguientes factores de virulencia: producción de biopelícula, hemolisinas, lipasas, lecitinasas, ADNasas. Además, se determinó la presencia del gen *mecA* y la proteína PBP2a expresada por este gen, presencia del gen de la leucocidina de Pantón Valentine, resistencia a metilina por el método de difusión y la resistencia acompañante frente a 11 antimicrobianos más por el mismo método.



Tabla 1. Identificación de especies de *Staphylococcus coagulans* negativos más frecuentes*

Especies	Novobiocina	Ureasa	PYR	Ornitina (MIO)	Manosa	Trehalosa	Manitol
<i>S. epidermidis</i>	S	+	-	V	(+)	-	-
<i>S. haemolyticus</i>	S	-	+	-	-	+	V
<i>S. lugdunensis</i>	S	V	+	+	-	+	-
<i>S. schleiferi</i> subesp. <i>schleiferi</i>	S	-	+	-	+	V	-
<i>S. capitis</i> subesp. <i>capitis</i>	S	-	-	-	-	-	+
<i>S. capitis</i> subesp. <i>ureolyticus</i>	S	+	V*	-	+	-	+
<i>S. caprae</i>	S	+	V*	-	+	(+)	V
<i>S. simulans</i>	S	+	++	-	V	V	+
Grupo <i>S. warneri</i>	S	+	-	-	-	++	V
<i>S. hominis</i> subesp. <i>hominis</i>	S	+	-	-	-	V**	-
<i>S. hominis</i> subesp. <i>novobiosepticum</i>	R	+	-	-	-	-	-
<i>S. saprophyticus</i>	R	+	-	-	-	+	V
<i>S. cohnii</i> subesp. <i>cohnii</i>	R	-	-	-	V	+	V
<i>S. cohnii</i> subesp. <i>urealyticum</i>	R	+	V	-	+	+++	+
<i>S. xylosum</i>	R	+	V	-	+	V***	+

* Resultado positivo; - Resultado negativo; V: Resultado positivo o negativo; (++) Resultado positivo lento; S: Sensible; R: Resistente. * Si la prueba es positiva = Prueba de β-galactosidasa para diferenciación de *S. simulans*. ** Si la prueba es positiva = Desarrollo en tioglicolato en anaerobiosis para diferenciación *S. hominis* subesp. *hominis* de *S. warneri*. Si es positivo se confirma *S. warneri*. *** Si la prueba es positiva = Acidificación de la xilosa. Prueba positiva confirma *S. xylosum*. *Modificado de De Paulis y cols. ref 11





*Virología | Bacteriología
Endocrinología | Biología Molecular
ADN - Filiación | Inmunología
Autoinmunidad | Toxicología
Cromatología | Pesquisa Neonatal*

20 Años

de destacada trayectoria



número de ATENCIÓN
AL CLIENTE

(011) 3220-5010



Consulte el listado de prácticas
en nuestro Sitio Web



www.centralab.com.ar

Producción de biopelícula: Para estos efectos se utilizó el método de Christensen que consiste en inocular una colonia proveniente de placa de agar sangre, en tubos de 5 ml de agar tripteína soya y luego incubar a 37 °C por 48 h. El contenido del tubo es removido y luego se realiza tinción con 0,25% de safranina. Una película adherente en la superficie del tubo fue tomado como evidencia de la formación de biopelícula. La ausencia de una película o la presencia de un anillo en la interfase líquido-aire se interpretó como negativo(15).

Producción de hemolisina: Se determinó en placas de agar sangre cordero incubada en una atmósfera de 5% de CO₂, a 35 °C. La formación de una zona de hemólisis alrededor de las colonias aisladas se interpreta como una prueba positiva.

Producción de nucleasa: La producción de ADNasa se determinó en placas de agar ADN, se incubó durante 48 h a 35°C, con el objetivo de detectar la producción de pequeñas cantidades y se reveló con ácido clorhídrico 1N. El aclaramiento del medio alrededor de la estría fue considerado positivo.

Producción de lipasa y lecitinasa: La actividad lipolítica se determinó en agar yema de huevo (Medio EYA), donde una zona de aclaramiento alrededor del crecimiento bacteriano se interpretó como resultado positivo para lecitinasa y una iridiscencia o brillo perlado alrededor del crecimiento bacteriano se interpretó como prueba positiva para lipasa.

Genes *mecA* y Panton-Valentine: La detección de los genes *mecA* y *pvl* se realizó mediante una RPC múltiple simultánea, estandarizada recientemente por Carpinelli y cols., utilizando cebadores específicos descritos previamente por Murakami y cols., y Lina y cols.(16-18). Los tamaños de las bandas se verificaron corriendo en paralelo un marcador de peso molecular de 100 pb (Bioline, UK) y visualizados con luz UV utilizando un transiluminador UV previa tinción con bromuro de etidio (5 µg/ml).

Detección de PBP2a

Para determinar el fenotipo resistente a oxacilina se realizó detección de PBP2a con una prueba comercial basada en aglutinación de látex (Oxoid®), siguiendo estrictamente las instrucciones del fabricante.

Prueba de susceptibilidad in vitro

Se determinó por el método de difusión de discos en agar Mueller Hinton según recomendaciones del Clinical Laboratory Standard Institute (CLSI)(19). El inóculo fue preparado utilizando una suspensión directa de colonias, para evitar que sub-poblaciones hétero-resistentes fueran opacadas por células sensibles, que crecen más rápidamente cuando se lo prepara a partir de caldo.

Para determinar la susceptibilidad a oxacilina fue utilizado el disco de cefoxitina 30 µg según recomendaciones de la CLSI, como un método más preciso para predecir la resistencia a oxacilina mediada por *mecA* en *Staphylococcus spp.* Fueron considerados los siguientes puntos de corte: para SCN (distinto de *S. lugdunensis*), halos de inhibición ≥ 25 mm fueron considerados sensibles a oxacilina y halos ≤ 24 mm como resistentes y para *S. lugdunensis*: ≥ 22 mm sensible a oxacilina y ≤ 21mm, resistentes. También se determinó la susceptibilidad in vitro a penicilina, eritromicina, clindamicina, gentamicina, ciprofloxacina, moxifloxacina, rifampicina, cotrimoxazol, tetraciclina, cloranfenicol y vancomicina por el método de difusión de discos en agar Mueller Hinton según recomendaciones del CLSI19. Se evaluó además la resistencia inducible a clindamicina mediante el D test.

Cepas de referencia

Fueron utilizadas cepas de referencia de la American Type Culture Collection (ATCC) *S. haemolyticus*: ATCC 29970, *S. lugdunensis*: ATCC 49576 y *S. aureus*: ATCC 25923 para control de las pruebas de identificación y los factores de virulencia. Para determinación de sensibilidad por difusión fue utilizado *S.*

aureus: ATCC 25923 y para control de los métodos moleculares *S. aureus*: ATCC 25923 y *S. aureus*: ATCC 43300 (Microbiologics®).

Resultados

Se estudió un total de 64 aislados de SCN provenientes de: urocultivos (n: 22), secreciones purulentas profundas de diversas localizaciones (n: 14), secreciones de heridas infectadas (n: 9), catéter venoso central (n: 8), abscesos (n: 4), líquido peritoneal (n: 2), hemocultivos (n: 2) y hueso (n: 2). Estas muestras fueron de pacientes internados en 42,2% de los casos. La especie más frecuentemente aislada fue *S. epidermidis* 26 (40,6%), seguida de *S. haemolyticus* 13 (20,3%), y *S. lugdunensis* 10 (15,6%) (Tabla 2).



Tabla 2. Frecuencia de aislamiento de las distintas especies de *Staphylococcus coagulasa negativa*

Especie aislada	Frecuencia	%
<i>S. epidermidis</i>	26	40,6
<i>S. haemolyticus</i>	13	20,3
<i>S. lugdunensis</i>	10	15,6
<i>S. capitis capitis</i>	5	7,8
<i>S. warneri</i>	3	4,7
<i>S. caprae</i>	2	3,1
<i>S. simulans</i>	2	3,1
<i>S. xylosum</i>	2	3,1
<i>S. hominis sub esp. hominis</i>	1	1,6
Total	64	100,0

Considerando el origen de las distintas especies de SCN se obtuvieron de orina aislados de: *S. epidermidis* 10 (45,5%), *S. haemolyticus* 6 (27,3%) y *S. capitis subesp. capitis* 3 (13,6%); de secreciones purulentas de diversas localizaciones, abscesos, heridas: *S. lugdunensis* 10 (37,0%), *S. epidermidis* 7 (25,9%) y *S. haemolyticus* 5 (18,5%); y de hemocultivos, catéteres y huesos: *S. epidermidis* 9 (60%), *S. haemolyticus* 2 (13,3%) y *S. capitis subesp. capitis* 2 (13,3%). Todos los aislados de *S. lugdunensis* fueron a partir de secreciones purulentas, abscesos y heridas (Tabla 3).

Las muestras de orina provinieron en su mayoría de pacientes ambulatorios. En 86,4%, las de secreciones purulentas de

diversas localizaciones, abscesos, heridas, fueron también mayoritariamente de ambulatorios en 63,0%, a diferencia de muestras extraídas de sangre, catéteres y hueso, grupo de muestras que provino fundamentalmente de pacientes hospitalizados en 93,3% (Tabla 4).

La edad media de los pacientes con urocultivo fue de 78,4 años, mientras que la edad media de los demás pacientes fue de 54 años, observándose una diferencia estadísticamente significativa.

El 73,1% de *S. epidermidis*, 53,8% de *S. haemolyticus* y 40% de *S. lugdunensis* fueron productores de biopelícula (Tabla 5). La producción de lipasa y lecitinasa fue de 53,8% para *S. epidermidis* y *S. haemolyticus* de 61,5 y 46,2%, respectivamente. *S. lugdunensis* sólo fue positiva para la producción de lipasa en 60% y ningún aislado produjo lecitinasa (Tabla 5).

Nucleasa de tipo ADNasa se

detectó en 100% de las cepas de *S. haemolyticus* y de *S. lugdunensis* con la incubación durante 48 h. La producción fue menor en relación a la producida por la cepa de *S. aureus* ATCC 25923. Ningún aislado de *S. epidermidis* fue productor de ADNasa (Tabla 5). Cuando la incubación de la prueba de ADNasa es realizada durante 24 h como lo describe la técnica para identificación de especies, tanto *S. haemolyticus* como *S. lugdunensis* dan prueba de ADNasa negativa.



Tabla 3. Frecuencia de los diferentes aspectos aislados según origen de la muestra

	Otra	Secreciones purulentas, abscesos, heridas	Hemocultivos, punta de catéteres, hueso	Total
<i>S. epidermidis</i>	10 (45,5%)	7 (21,9%)	9 (60,8%)	26
<i>S. haemolyticus</i>	6 (27,3%)	5 (18,2%)	3 (11,3%)	14
<i>S. lugdunensis</i>	0	10 (37,0%)	0	10
<i>S. saprophyticus</i>	3 (13,6)	0	2 (11,2%)	5
<i>S. carnosus</i>	1 (4,5%)	1 (3,7%)	1 (3,7%)	3
<i>S. epistominis</i>	1 (4,5%)	1 (3,7%)	0	2
<i>S. aureus</i>	0	2 (7,6%)	0	2
<i>S. vitreus</i>	1 (4,5%)	1 (3,7%)	0	2
<i>S. hominis</i>	0	0	1 (3,7%)	1
Total	22	27	15	64



Tabla 4. Distribución de los recuentos aislados por procedencia del paciente

Muestras	Procedencia de los pacientes		Total
	Ambulatorio	Hospitalizado	
Otra	19 (86,4)	3 (13,6)	22
Secreciones purulentas, abscesos, secreciones de heridas	17 (63,0)	10 (37,0)	27
Hemocultivos, punta de catéteres, hueso	1 (6,7)	14 (93,3)	15
Total	37 (57,8)	27 (42,2)	64



Tabla 5. Frecuencia de los factores de virulencia en los aspectos positivos de *Staphylococcus coagulans* negativos

Factores de virulencia	Especie aislada		
	<i>S. epidermidis</i> (n = 26)	<i>S. haemolyticus</i> (n = 14)	<i>S. lugdunensis</i> (n = 10)
Biopelícula	19 (73,1)	7 (50,0)	4 (40)
Lipasa	14 (53,8)	8 (61,5)	6 (60)
Lecitinasa	14 (53,8)	6 (46,2)	0 (0)
ADNasa*	0 (0)	13 (100)	10 (100)
Hemólisis	4 (15,4)	13 (100)	10 (100)
Nuc A	18 (69,2)	12 (85,7)	0 (0)
PNL	0 (0)	0 (0)	0 (0)

Los valores entre paréntesis expresan porcentajes. *Prueba de ADNasa con 48 h de incubación. PNL, Inoculador Factor Valencia

La producción de hemolisina se observó en todos los aislados de *S. haemolyticus* y de *S. lugdunensis*, siendo mucho más intensa la hemólisis producida

BioSystems

Equipo de Secuenciación de Nueva Generación con la tecnología mundialmente reconocida Illumina.

Sistema integrado (on-instrument) para generación automática de clusters de ADN por amplificación en puente, secuenciación y análisis primario y secundario de los datos.

- Servidor para almacenamiento de datos provisto por Illumina (BaseSpace).
- Capacidad de generación de datos actual de 15 Gb con lecturas de 2 x 300pb en 65 horas.
- Lectura paired-end con calidad esperada de Q30 (1 error cada 1000 bases) para más del 80% de las bases leídas durante la secuenciación de fragmentos de 150 bp.



www.biosystems.com.ar

por el primero (Tabla 5).



Tabla 6. Resistencia a los diferentes antimicrobianos ensayados de las principales especies de *Staphylococcus* con resultado negativo

Antimicrobiano:	<i>S. epidermidis</i> (n = 29)	Especie aislada <i>S. haemolyticus</i> (n = 11)	<i>S. lugdunensis</i> (n = 10)
Penicilina	25 (86,2)	12 (90,9)	3 (30)
Oxacilina	17 (58,6)	12 (90,9)	0 (0)
Clindamicina*	9 (30,9)	5 (36,4)	1 (10)
Eritromicina	14 (48,3)	11 (81,8)	1 (10)
Cotrimoxazol	8 (27,5)	9 (63,6)	0 (0)
Ciprofloxacina	20 (68,9)	10 (72,7)	0 (0)
Moxifloxacina	14 (48,3)	9 (63,6)	0 (0)
Clarfeximol	7 (23,8)	4 (30,9)	0 (0)
Gentamicina	6 (20,6)	9 (63,6)	0 (0)
Netilmicina	7 (23,8)	7 (54,5)	1 (10)
Tetraciclina	2 (7,1)	1 (7,3)	0 (0)

Los valores entre paréntesis expresan porcentaje. *La resistencia a clindamicina incluye resistencia a lincomicina.



Tabla 7. Producción de lipasa y lecitinasa en las especies principales de *Staphylococcus* con resultado negativo, según presencia mecA

Especie	Producción de biopelícula	
	mecA (+)	mecA (-)
<i>S. epidermidis</i>	15/18 (83,3%)	6/9 (66,6%)
<i>S. haemolyticus</i>	7/12 (58,3%)	0/1 (0%)
<i>S. lugdunensis</i>	0/9 (0%)	0/10 (0%)

Los resultados del gen *mecA* coincidieron totalmente con la presencia de PBP2a y fue de 69,2% en *S. epidermidis*, 92,3% en *S. haemolyticus* y en ninguno de los aislados de *S. lugdunensis* (Tabla 5).

No se detectó el gen de la PVL en aislado alguno de SCN.

Los aislados de *S. epidermidis* y *S. haemolyticus* presentaron una alta resistencia a la mayoría de los antimicrobianos ensayados; en cambio, para *S. lugdunensis* se obtuvo muy buena sensibilidad (Tabla 6).

Los valores de resistencia a clindamicina obtenidos incluyen las resistencias inducibles, fenómeno que se observó en dos aislados de *S. epidermidis*, uno de *S. haemolyticus* y en el único aislado de *S. lugdunensis* resistente a clindamicina. Además fue observado en un aislado de *S. simulans*.

Por el método de difusión utilizando el disco de cefoxitina, la resistencia a metilina fue de 65,4% en *S.*

epidermidis y 92,3% en *S. haemolyticus*. Ningún aislado de *S. lugdunensis* mostró resistencia a metilina.

De los 30 aislados *mecA* (+), 29 (96,7%) fueron detectado por test de difusión.

El 83% de *S. epidermidis* gen *mecA* positivos fue productor de biopelícula (Tabla 7).

Discusión

Nuestros hallazgos coinciden con numerosos trabajos que reportan a *S. epidermidis* como el SCN más frecuentemente implicado en infecciones, seguido por *S. haemolyticus* (11,20,21). *S. lugdunensis* fue identificado en 15% de las cepas, frecuencia que consideramos alta El 73,1% de *S. epidermidis*, 53,8% de *S. haemolyticus* y 40% de *S. lugdunensis* fueron productores de biopelícula (Tabla 5). La producción de lipasa y lecitinasa fue de 53,8% para *S. epidermidis* y *S. haemolyticus* de 61,5 y 46,2%, respectivamente. *S. lugdunensis* sólo fue positiva para la producción de lipasa en 60% y ningún aislado produjo lecitinasa (Tabla 5).

Nucleasa de tipo ADNasa se detectó en 100% de las cepas de *S. haemolyticus* y de *S. lugdunensis* con la incubación durante 48 h. La producción fue menor en relación a la producida por la cepa de *S. aureus* ATCC 25923. Ningún aislado de *S. epidermidis* fue productor de ADNasa (Tabla 5). Cuando la incubación de la prueba de ADNasa es realizada durante 24 h como lo describe la técnica para identificación de especies, tanto *S. haemolyticus* como *S. lugdunensis* dan prueba de ADNasa negativa.

La producción de hemolisina se observó en todos los aislados de *S. haemolyticus* y de *S. lugdunensis*, siendo mucho más intensa la hemólisis producida por el primero (Tabla 5).

Los resultados del gen *mecA* coincidieron totalmente con la presencia de PBP2a y fue de 69,2% en *S. epidermidis*, 92,3% en *S. haemolyticus* y en ninguno de los aislados de *S. lugdunensis* (Tabla 5).

No se detectó el gen de la PVL en aislado alguno de SCN.

Los aislados de *S. epidermidis* y *S. haemolyticus* presentaron una alta resistencia a la mayoría de los antimicrobianos ensayados; en cambio, para *S. lugdunensis* se obtuvo muy buena sensibilidad (Tabla 6).

Los valores de resistencia a clindamicina obtenidos incluyen las resistencias inducibles, fenómeno que se observó en dos aislados de *S. epidermidis*, uno de *S. haemolyticus* y en el único aislado de *S. lugdunensis* resistente a clindamicina. Además fue observado en un aislado de *S. simulans*.

Por el método de difusión utilizando el disco de cefoxitina, la resistencia a metilina fue de 65,4% en *S. epidermidis* y 92,3% en *S. haemolyticus*. Ningún aislado de *S. lugdunensis* mostró resistencia a metilina.

De los 30 aislados *mecA* (+), 29 (96,7%) fueron detectado por test de difusión.

El 83% de *S. epidermidis* gen *mecA* positivos fue productor de biopelícula (Tabla 7).

Discusión

Nuestros hallazgos coinciden con numerosos trabajos que reportan a *S. epidermidis* como el SCN más frecuentemente implicado en infecciones, seguido por *S. haemolyticus* (11,20,21). *S. lugdunensis* fue identificado en 15% de las cepas, frecuencia que consideramos alta cuando la comparamos con lo reportado por estos mismos autores, de 3 a 6%. Esta especie está reportándose cada vez con mayor frecuencia y se la ha asociado a un amplio espectro de infecciones, principalmente de piel y tejidos blandos, como celulitis y abscesos subcutáneos. Además, ha sido reportada como causa de endocarditis, artritis, infecciones de prótesis, osteomielitis, infección urinaria y de heridas, en los que se describe la

naturaleza agresiva de esta bacteria, considerada más virulenta que otros SCN(22,23). El incremento de infecciones debidas a *S. lugdunensis* puede deberse tanto a un mejor conocimiento de sus características, o a un mayor índice de sospecha; sin embargo, es posible que su incidencia siga aún subestimada e incluida dentro del grupo de los SCN no identificados, o identificado como *S. aureus*, debido a que comparte con este último, la capacidad de producir coagulasa ligada y la similitud de sus colonias. En frecuencia de aislamiento sigue *S. capitis subesp. capitis*, frecuencia comparable a lo encontrado por otros autores, quienes lo reportan como causante de infecciones varias, abscesos y endocarditis(24,25). Como era de esperarse, las demás especies, *S. warneri*, *S. caprae*, *S. hominis subespecie hominis* y *S. simulans*, fueron aisladas en baja frecuencia; existen, en cambio, reportes que revelan un aumento de *S. hominis* y *S. warneri* como causantes de bacteriemia e infecciones nosocomiales(7,26). No se

obtuvo aislamiento de *S. schleiferi*, que, si bien no es frecuente, comparte con *S. lugdunensis* la capacidad de producir coagulasa unida e infecciones similares a las de *S. aureus*(27).

En este estudio se excluyeron a los aislados de *S. saprophyticus*, conocido uropatógeno, frecuentemente aislado en mujeres sexualmente activas y que ya ha sido bien estudiado(1,13,14). Esta especie es identificada en los laboratorios de microbiología mediante la prueba de resistencia a la novobiocina, prueba considerada suficiente para la identificación siempre que el aislado provenga de orina de mujeres en edad sexual activa. Otros SCN resistentes a novobiocina son rarísimos como agentes de infección del tracto urinario en este grupo etario. Obtuvimos solamente dos aislados resistentes a novobiocina que no correspondieron a *S. saprophyticus*, por lo que no fueron excluidos del estudio; ambos fueron identificados como *S. xylosum*, uno de ellos

de orina de un hombre aioso y el otro de secreción de herida. A pesar de que los aislados de *S. saprophyticus* fueron excluidos en este trabajo, 34,4% de los aislados se obtuvieron de muestras de orina, comparable con el estudio de De Paulis y cols., para quienes el porcentaje de muestras de orina fue similar al nuestro, pero sin la exclusión de *S. saprophyticus*. En dicho estudio, siguieron en frecuencia las muestras de heridas (14,9%) y luego hemocultivos (12,9%). En otras series predominan totalmente muestras de hemocultivos, como en el reporte de Leven y cols., quienes obtuvieron la mayor parte de aislados de hemocultivos en 60,3% de los casos, seguido de catéteres (12,1%), luego heridas (10,8%), y la orina representó sólo 5,6% de las muestras(11,20). El número importante de orinas en nuestro estudio, podría deberse a que el laboratorio donde fueron recolectadas las muestras recibe una mayor cantidad de pacientes ambulatorios y la mayoría de los urocultivos procedió de pacientes no hospitalizados con edad media

NO LO PIENSE MÁS, TENEMOS EL EQUIPO IDEAL PARA SU LABORATORIO

Química Clínica



240 Test/Hora
DIRUI CS-T240



400 Test/Hora
DIRUI CS-400



600 Test/Hora
DIRUI CS-600B

Orinas



514 Tiras/Hora
DIRUI H-500

Hematología



60 Hemogramas/Hora
DIRUI BCC-3000B



60 Hemogramas/Hora
DIRUI BF-6500



80 Hemogramas/Hora
Con AUTO-SAMPLER
DIRUI BF-6800

DIRUI 20



Bernardo Lew

significativamente mayor a la edad media de los demás pacientes. Las razones posibles de la elevada frecuencia de infecciones del tracto urinario en los ancianos incluyen uropatía obstructiva debido a hiperplasia prostática y pérdida de la actividad bactericida de las secreciones prostáticas en los varones, vaciamiento deficiente de la vejiga debido al prolapso en las mujeres, además enfermedad neuromuscular, aumento de la manipulación y uso de catéteres en la vejiga de ambos sexos(28). Además, existen reportes de pacientes con prostatitis subaguda o crónica debidas a SCN29. De los SCN distintos de *S. saprophyticus* cultivados a partir de orina, *S. epidermidis* es la especie predominante y aislado de pacientes con complicaciones de las vías urinarias30. Coincidentemente, en el presente estudio el más frecuentemente aislado de muestras de orina fue *S. epidermidis*, seguido de *S. haemolyticus*.

La totalidad de los aislados de *S. lugdunensis* provino de secreciones purulentas de diversos orígenes, de abscesos y de heridas; esta especie, como ya se ha mencionado, es aislada principalmente de piel y tejidos blandos(22,23). No se identificó cepa alguna de *S. lugdunensis* a partir de orina.

En cuanto al método utilizado para la identificación de especies, es económico, simple como lo manifiestan los autores en relación al método de referencia propuesto por Kloss y cols.(12), y además efectivo porque permitió la identificación de las especies más frecuentes con relativa facilidad.

Es importante mencionar que en países en vías de desarrollo como el nuestro, la identificación del género *Staphylococcus* se realiza en la mayoría de los laboratorios de microbiología, con la prueba de coagulasa en tubo; si ésta es positiva se informa como *S. aureus* y si resulta negativa se identifica como SCN(21). Sin embargo, debido al aumento de las infecciones debidas a estos agentes se los debería identificar a nivel de especie, por lo menos a las más frecuentemente asociadas con patologías. Coincidimos con numerosos

trabajos que han enfatizado la importancia de realizar identificación de especie en todo aislado que se considere significativo(7), por lo que se propone la implementación del método simple y económico, que utiliza medios con lo que habitualmente cuentan los laboratorios de microbiología y que permite diferenciar las especies más frecuentemente implicadas en infecciones como son *S. epidermidis*, *S. haemolyticus*, *S. lugdunensis* e inclusive, *S. capitis sub especie capitis*.

Las demás especies como *S. hominis*, *S. warneri*, *S.* entre los métodos de detección del gen *mecA* por RPC y el comercial de aglutinación que detecta la proteína ligadora de penicilina de baja afinidad, la PBP 2a.

Además, se obtuvo muy buena correlación entre el método de difusión y la presencia del gen *mecA*; sólo un aislado de *S. epidermidis* que presentaba el gen no fue detectado por el método de difusión con los discos de cefoxitina según puntos de corte propuesto por el CLSI19. Ha sido descrito para *S. epidermidis* que algunos aislados, aún portando el gen, tienen CIM relativamente bajas lo que no puede ser detectado por difusión.

Por otra parte, se debe destacar la excelente sensibilidad que presenta *S. lugdunensis* a la mayoría de los antimicrobianos.

No encontramos resistencia a meticilina en concordancia con numerosos estudios que la consideran una bacteria muy sensible, característica que comparte con *S. saprophyticus*. Sin embargo, existen reportes de aislados de *S. lugdunensis* resistentes a meticilina.(35)

Con este estudio contribuimos al conocimiento de un patógeno emergente que puede causar enfermedades graves, muchas veces difícil de erradicar. Proponemos que la identificación a nivel de especie sea una práctica habitual en los laboratorios de rutina de microbiología clínica, incluso los que no cuentan con equipos automatizados de identificación,

para ayudar a valorar a esta bacteria en su justa medida.

No debe olvidarse que el tratamiento de *S. epidermidis* y *S. haemolyticus*, especialmente relacionadas a dispositivos ajenos, es un desafío para la ciencia médica por la producción de biopelícula y la resistencia antimicrobiana, por lo que se propone seguir estudiando en este tema, a fin de contribuir con investigaciones que se llevan a cabo actualmente y que están dirigidas a interferir en la formación de biopelícula o posibilitar la disgregación del mismo.

Agradecimientos: A la Fundación Georg-Hannelore Zimmermann, Munich, Alemania, por el apoyo económico para la realización del proyecto.



Referencias bibliográficas

- 1.- Koneman E, Allen S, Janda W, Schreckenberger P, Winn W. Diagnóstico microbiológico. Texto y Atlas a color. 5ta ed. Buenos Aires: Médica Panamericana 1999; p. 282-3.
- 2.- Kloos W E, Schleifer K H. Isolation and characterization of *staphylococci* from

human skin. Descriptions of four new species: *Staphylococcus warneri*, *Staphylococcus capitis*, *Staphylococcus hominis*, and *Staphylococcus simulans*. Int J Syst Bacteriol 1975; 25: 62-79.

3.- Tan T Y, Ng S Y, Ng W X. Clinical significance of coagulase negative staphylococci recovered from nonsterile sites. J Clin Microbiol 2006; 44: 3413-4.

4.- Aldea-Mansilla C, García de Viedma D, Cercenado E, Martín-Rabadán P, Marín M, Bouza E. Comparison of phenotypic with genotypic procedures for confirmation of coagulase-negative *Staphylococcus* catheter-related bloodstream infections. J Clin Microbiol 2006; 44: 3529-32.

5.- Cunha M L, Rugolo L M, Lopes C A. Study of virulence factors in coagulase-negative staphylococci isolated from newborns. Mem Inst Oswaldo Cruz 2006; 101: 661-8.

6.- Predari S. Estafilococos coagulasa negativos: el enemigo silente. Rev Arg Microbiol 2007; 39: 1-3.

7.- Kloos W E, Bannerman T L. Update on clinical significance of coagulase-negative

staphylococci. Clin Microbiol Rev 1994; 7: 117-40.

8.- Arslan S, Özkardes F. Slime production and antibiotic susceptibility in staphylococci isolated from clinical samples. Mem Inst Oswaldo Cruz 2007; 102: 29-33.

9.- Archer G L, Climo M W. Staphylococcus epidermidis y otros estafilococos coagulasa negativos. En Mandell G L, Douglas R G, Bennett J E (eds). Enfermedades Infecciosas. Principios y Práctica. 6ª ed. Madrid: Elsevier; 2006. p. 2352-60.

10.- Corso A, Soloaga R, Faccone D, Gagetti P, Corbella S, Iglesias M, et al. Improvement of a latex agglutination test for the evaluation of oxacillin resistance in coagulase negative staphylococci. Diagn Microbiol Infect Dis 2004; 50: 223-5.

11.- De Paulis A, Predari S, Chazarreta C, Santoianni J. Five-test simple scheme for species-level identification of clinical significant coagulase-negative staphylococci. J Clin Microbiol 2003; 41: 1219-24.

12.- Kloos W E, Schleifer K H. 1975.

Simplified scheme for routine identification of human *Staphylococcus* species. J Clin Microbiol 1975; 1: 82-8.

13.- Pead L, Maskell R, Morris J. *Staphylococcus saprophyticus* as a urinary pathogen: a six year prospective survey. Br Med J 1985; 291: 1157-9.

14.- Fariña N, Sanabria R, Ramos L, Samudio M, Figueredo L. *Staphylococcus saprophyticus* como patógeno urinario. Mem Inst Invest Cienc Salud 2005; 1: 31-3.

15.- Christensen G D, Simpson W A, Bisno A L, Beachey E H. Adherence of slime producing strains of *S. epidermidis* to smooth surfaces. Infect Immun 1982; 37: 318-26.

16.- Murakami K, Minamide W, Wada K, Nakamura E, Teraoka H, Watanabe S. Identification of methicillin-resistant strains of staphylococci by polymerase chain reaction. J Clin Microbiol 1991; 29: 2240-4.

17.- Lina G, Piémont Y, Godail-Gamot F, Bes M, Peter M, Gauduchon V, et al. Involvement of Panton-Valentine leukocidin-producing *Staphylococcus*

ALERE determine PORQUE EL DIAGNÓSTICO RÁPIDO JUEGA UN ROL FUNDAMENTAL ...

- Rápido, resultados en minutos. ✓
- Simple procedimiento, mínimo entrenamiento. ✓
- Resultados claros y confiables. ✓
- Flexible: permite el uso de suero, plasma o sangre entera. ✓
- Almacenamiento a temperatura ambiente. ✓



determine

HEPATITIS B

Alere Determine HBsAg

Detección de antígeno de superficie de hepatitis B.

determine

SIFILIS

Alere Determine Sífilis

Detección de anticuerpos contra *Treponema pallidum*.

determine

HIV

Alere Determine HIV 1/2

Detección de anticuerpos contra el virus HIV tipos 1 y 2.

determine

HIV COMBO

Alere Determine HIV 1/2 Ac/Ag Combo

Detección del antígeno p24 y de anticuerpos contra el virus HIV.

www.alere.com.ar

Alere SA | 14 de julio 618 (C1427CJN) | Tel. 011 4554 4007 / Fax 011 4553 2141 | Email. info@alere.com.ar

Alere[™]

aureus in primary skin infections and pneumonia. Clin Infect Dis 1999; 29: 1128-32.

18.- Carpinelli L M, Guillén R M, Fariña N, Basualdo W, Aquino R. PCR múltiple para la detección simultánea de los genes *mecA* y *pvl* en *Staphylococcus spp* Mem Inst Investig CiencSalud 2012; 10(1): 5-13.

19.- Clinical and Laboratory Standards Institute. Performance standards for antimicrobial susceptibility testing; nineteenth informational supplement and approved standard M100-S19. Wayne, PA: CLSI; 2009.

20.- Ieven M, Verhoeven J, Pattyn S, Goossens H. Rapid and economical method for species identification of clinically significant coagulase-negative staphylococci. J Clin Microbiol 1995; 33: 1060-3.

21.- Iorio N L, Ferreira R B, Schuenck R P, Malvar K L, Brillhante A P, Nunes AP, et al. Simplified and reliable scheme for species-level identification of *Staphylococcus* clinical isolates. J Clin Microbiol 2007; 45: 2564-9.

22.- Cercenado E. *Staphylococcus lugdunensis*: un estafilococo coagulasa negativo diferente de los demás. Enferm Infecc Microbiol Clin 2009; 27(3): 139-42.

23.- Mateo M, Maestre JR, Aguilar L, Cafini F, Puente P, Sánchez P, et al. Genotypic versus phenotypic characterization, with respect to susceptibility and identification, of 17 clinical isolates of *Staphylococcus lugdunensis*. J Antimicrob Chemother 2005; 56: 287-91.

24.- Surani S, Chandna H, Weinstein R. 1993. Breast abscess: coagulase-negative staphylococcus as a sole pathogen. Clin Infect Dis 1993; 17: 701-4.

25.- Mainardi J L, Lortholary O, Buu-Hoi A, Desplaces H, Goldstein F, Gutmann L, et al. Native valve endocarditis caused by *Staphylococcus capitis*. Eur J Clin Microbiol Infect Dis 1993; 12: 789-91.

26.- Kamath U, Singer C, Isenberg D. Clinical significance of *Staphylococcus warneri* bacteremia. J Clin Microbiol 1992; 30: 261-4.

27.- Hébert G A. Hemolysins and other characteristics that help differentiate and biotype *Staphylococcus lugdunensis* and *Staphylococcus schleiferi*. J Clin Microbiol 1990; 28: 2425-31.

28.- Baldassarre J S, Kaye D. Special

problems of urinary tract infection in the elderly. Med Clin North Am 1991; 75: 375-90.

29.- Nickel J C, Costerton J W. Coagulase-negative staphylococcus in chronic prostatitis. J Urol 1992; 147: 398-401.

30.- Nicolle L E, Hoban S A, Harding G K M. Characterization of coagulase-negative staphylococci from urinary tract specimens. J Clin Microbiol 1983; 17: 267-71.

31.- Vogel L, Sloos J H, Spaargaren J, Suiker I, Dijkshoom L. Biofilm production by *Staphylococcus epidermidis* isolates associated with catheter related bacteremia. Diagn Microbiol Infect Dis 2000; 36: 139-41.

32.- McCann M T, Gilmore B F, Gorman S P. *Staphylococcus epidermidis* device-related infections: pathogenesis and clinical management. JPP 2008; 60: 1551-71.

33.- Kitao T, Ishimaru M, Nishihara S. Detection of biofilm-producing and methicillin resistance genes in *Staphylococcus epidermidis* isolated from healthy humans and in blood culture tests. J Infect Chemother 2010; 16: 170-3.

34.- Kaplan S. Community-acquired methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* infections in children. Semin Pediatr Infect Dis 2006; 17: 113-9.

35.- Tee W S, Soh S Y, Lin R, Loo L H. *Staphylococcus lugdunensis* carrying the *mecA* gene causes catheter-associated blood stream infection in premature neonate. J Clin Microbiol 2003; 41: 519-20.

